

## Statistical analysis for scRNAseq data

*jeudi 18 octobre 2018 13:30 (1 heure)*

Dans cet exposé, on s'intéressera à une série non exhaustive de méthodes statistiques pour l'étude des données scRNAseq (sélection de gènes, réduction de dimension, clustering de cellules, ...)

**Orateur:** MAUGIS-RABUSSEAU, Cathy (INSA/IMT)